

LP-WGS (CNV) par LP-WGS
Détection de nombre de copies (CNV) par LP-WGS*

*LP-WGS : analyse par séquençage complet du génome de faible profondeur

Prélèvement demandé: Date _____ Heure _____

Unité de Soins/Clinique : _____ MD/Requérant : _____ # Licence : _____ Prélèvement fait: Date: _____ Heure: _____ Prélevé par: _____ Cocher obligatoirement la nature de l'échantillon et les analyses requises <input type="checkbox"/> Grossesse en cours DDM: _____ <input type="checkbox"/> SANG <input type="checkbox"/> AMNIOCYTES <input type="checkbox"/> ADN extrait: tissu d'origine <input type="checkbox"/> Autre: Tissu d'origine spécifique: _____	Identification du patient Nom, Prénom : _____ Sexe : F <input type="checkbox"/> M <input type="checkbox"/> # Dossier / # Ass. maladie : _____ Date de naissance : _____ ou Plaquer carte
--	---

Ce formulaire doit être complété afin d'éviter les délais de traitement et de guider l'interprétation. Renseignements cliniques (cocher toutes les cases qui s'appliquent)

<input type="checkbox"/> Prénatal Sexe du foetus <input type="checkbox"/> F <input type="checkbox"/> M <input type="checkbox"/> Clarté nucale ≥ 3.5 mm HP:0010880 <input type="checkbox"/> Hygroma kystique HP:0010878 <input type="checkbox"/> Retard de croissance HP:0001511 <input type="checkbox"/> Os longs courts HP:0003026 <input type="checkbox"/> Malformation cardiaque HP:0010948 Spécifier : _____ <input type="checkbox"/> Malformation cérébrale HP:0034206 Spécifier : _____ <input type="checkbox"/> Lissencéphalie HP:0001339 <input type="checkbox"/> Malformation rénale HP:0012210 Spécifier : _____ <input type="checkbox"/> Hernie diaphragmatique HP:0000776 <input type="checkbox"/> Omphalocèle HP:0001539 <input type="checkbox"/> Polyhydramnios HP:0001561 <input type="checkbox"/> Oligohydramnios HP:0001562 <input type="checkbox"/> Hydrops fœtal HP:0001789 <input type="checkbox"/> Autres anomalies à l'échographie : _____ <input type="checkbox"/> MIU Âge gestation : _____ HP:0034241	<input type="checkbox"/> Enfant/adulte Croissance <input type="checkbox"/> Poids <input type="checkbox"/> < 3 pc HP:0004325 <input type="checkbox"/> > 97 pc HP:0004324 <input type="checkbox"/> Taille <input type="checkbox"/> < 3 pc HP:0004322 <input type="checkbox"/> > 97 pc HP:0000098 <input type="checkbox"/> Macrocéphalie HP:0000256 <input type="checkbox"/> Microcéphalie HP:0000252 <input type="checkbox"/> Troubles neurologiques HP:0000707 <input type="checkbox"/> Retard global du développement HP:0001263 <input type="checkbox"/> Retard du langage HP:0000750 <input type="checkbox"/> Retard moteur HP:0001270 <input type="checkbox"/> Retard de la motricité fine HP:0010862 <input type="checkbox"/> Déficience intellectuelle HP:0001249 <input type="checkbox"/> légère HP:0001256 <input type="checkbox"/> moyenne HP:0002342 <input type="checkbox"/> sévère HP:0010864	Trouble neurologiques (suite) <input type="checkbox"/> Trouble d'apprentissage HP:0001328 <input type="checkbox"/> Trouble du langage HP:0002463 <input type="checkbox"/> Trouble du spectre autistique HP:0000729 <input type="checkbox"/> Trouble déficitaire de l'attention avec hyperactivité HP:0007018 <input type="checkbox"/> Hypotonie HP:0001252 <input type="checkbox"/> Épilepsie HP:0001250 <input type="checkbox"/> Autres à spécifier : _____ _____ _____
---	---	--

Anomalies congénitales et dysmorphies (cocher phénotypes au verso)

OUI NON 

Histoire familiale pertinente: _____

Y a-t-il des analyses cytogénétiques antérieurement effectuées sur ce patient?

OUI, spécifier : _____ NON INCONNU

<input type="checkbox"/> Détection de CNV (LP-WGS) Consentement nécessaire	<input type="checkbox"/> Suivi de LP-WGS/CGH par qPCR[‡] Consentement non-requis [‡] anciennement suivi de CGH par CGH Pour d'autres indications, contacter le laboratoire	<input type="checkbox"/> Suivi de LP-WGS/CGH par FISH Consentement non-requis FISH : 3-5 ml de sang, tube hépariné de sodium (bouchon vert), (0,5 - 1 ml acceptable en néonatal)
--	--	---

LP-WGS et qPCR : 5µg d'ADN ou 3 - 5 ml de sang, tube EDTA (bouchon lavande), (0,5 - 1 ml acceptable en néonatal)

Parent/apparenté d'un propositus avec résultat de LP-WGS / qPCR / CGH sur micropuce anormal.
 Phénotype : Normal Autre, spécifier : _____

Préciser le lien de parenté avec le propositus : _____

No. aCGH/LP-WGS/dossier médical et nom du propositus : _____

Cet individu (ou famille) a été informé(e) et consent aux tests demandés. Nous avons examiné les informations de ce formulaire avec le patient

Signature du requérant

Détection de nombre de copies (CNV) par LP-WGS*

*LP-WGS : analyse par séquençage complet du génome de faible profondeur

Anomalies congénitales et dysmorphies

Anomalies crâniofaciales et dysmorphies

Dysmorphies faciales HP:0001999

Spécifier : _____

Anomalie du crâne HP:0000929

Spécifier : _____

Fente oro-faciale HP:0000202

Craniosynostose HP:0001363

Anomalie de la mâchoire HP:0000277

Spécifier : _____

Autres : _____

Anomalies cutanées HP:0000951

Tache café-au-lait HP:0000957

Hypopigmentation HP:0001010

Hémangiome HP:0001028

Autres : _____

Anomalies oculaires HP:0000478

Cécité HP:0000618

Colobome HP:0000589

Cataracte HP:0000518

Nystagmus HP:0000639

Autres : _____

Anomalies auriculaires HP:0000598

Surdité HP:0000365

Malformation de l'oreille HP:0031703

Oreilles basses HP:0000369

Autres : _____

Anomalies cardiaques HP:0001627

Communication interauriculaire/
interventriculaire HP:0001631

Coarctation de l'aorte HP:0001680

Anomalie des valves HP:0001654

Anomalie conotruncale HP:0001710

Tétralogie de Fallot HP:0001636

Ventricule droit à double issue HP:0001719

Autres : _____

Anomalies génito-urinaires HP:0000119

Malformation rénale HP:0012210

Spécifier : _____

Kystes rénaux HP:0000107

Anomalie tractus urinaire HP:0000079

Hypospadias HP:0000047

Cryptorchidie HP:0000028

Ambiguïté sexuelle HP:0000062

Autres : _____

Anomalies gastrointestinales HP:0011024

Atrésie de l'oesophage HP:0002032

Atrésie intestinale HP:0011100

Imperforation anale HP:0002023

Autres : _____

Anomalies cérébrales HP:0002060

Spécifier : _____

Anomalies musculosquelettiques HP:0033127

Pli palmaire unique HP:0000954

Anomalie des doigts HP:0001167

Spécifier : _____

Anomalie des orteils HP:0001780

Spécifier : _____

Anomalie du membre supérieur HP:0002817

Spécifier : _____

Anomalie du membre inférieur HP:0002814

Spécifier : _____

Scoliose HP:0010674

Anomalie vertébrale HP:0000925

Spécifier : _____

Anomalie des côtes HP:0000772

Spécifier : _____

Anomalie de la cage thoracique HP:0001547

Spécifier : _____

Autres : _____

Immunodéficience HP:0002721

Autres anomalies

Spécifier : _____

Détection de nombre de copies (CNV) par LP-WGS*

Cette technique remplace désormais l'analyse de CGH sur micropuce

*LP-WGS : Analyse par séquençage complet du génome de faible profondeur.

Conseil pré-test : il est recommandé de discuter des points suivants avec le(s) parent(s) et / ou le(s) tuteur(s) avant de demander le test de LP-WGS.

- La technique de LP-WGS est réalisée à partir de l'ADN. L'échantillon de sang ou de tissu recueilli servira à extraire l'ADN.
- La technique de LP-WGS est conçue pour détecter des gains ou pertes chromosomiques sur l'ensemble du génome à une résolution supérieure à celle d'un caryotype standard et similaire à celle d'une CGH sur micropuce.
- Dans certains cas, pour évaluer si un gain ou une perte est cliniquement significative, des échantillons parentaux et/ou du patient seront nécessaires afin de déterminer si le déséquilibre est hérité ou de novo. Dans certains cas, un CNV identifié sur un patient aura une signification clinique inconnue, même après l'étude familiale.
- Plusieurs conditions cliniques peuvent être provoquées par d'autres changements génétiques (ex. mutations ponctuelles) et ne peuvent pas être détectées par cette analyse et ne peuvent donc pas être éliminées par un résultat normal de LP-WGS.
- L'analyse LP-WGS peut révéler des informations qui ne sont pas associées au diagnostic recherché. Ceci peut inclure entre autres la détection d'un changement prédisposant à une maladie à révélation tardive ou à un cancer.
- L'analyse prénatale par LP-WGS ne sera effectuée que pour les fœtus avec malformations, pour préciser une anomalie chromosomique non équilibrée observée au caryotype foetal ou détecter une anomalie clairement pathogénique connue dans la famille. Pour tout autre cas, s'adresser au laboratoire afin de vérifier si l'indication est justifiée. Lors de l'analyse d'échantillons prénataux, les variations avec une signification clinique incertaine ne seront pas rapportées.
- Les analyses de LP-WGS ne détecteront pas les anomalies suivantes :
 - Les mutations ponctuelles
 - Les réarrangements chromosomiques équilibrés comme les inversions, les translocations réciproques et robertsoniennes
 - Un faible pourcentage de mosaïque (inférieur à 15%)
 - Les anomalies dans les régions contenant des séquences répétées, incluant les bras courts des chromosomes acrocentriques et l'hétérochromatine du bras long du chromosome Y